

## 9 遺伝子多型と心血管疾患罹患リスクの大規模追跡調査

諏訪園 靖

本調査は遺伝子多型と心血管疾患罹患の関連を明らかにすることを目的とし、コホート調査を実施することとした。対象者は、男性 1,458 人、女性 1,191 人である。遺伝子多型はアディポネクチン受容体 2 遺伝子 (*AdipoR2*) と、BRCA1 関連蛋白遺伝子 (*BRAP*) の多型とした。基礎調査として、高血圧 (140/90 mmHg 以上または内服)、高脂血症 (総コレステロール値 240 mg/dl 以上)、糖尿病 (HbA<sub>1c</sub> 6.4% 超あるいは内服) と遺伝子多型の関連について、年齢、BMI、生活習慣、血液生化学検査結果をモデルに組み込み補正したオッズ比と 95% 信頼区間を logistic 回帰分析により算出した。結果として、男性では *BRAP* の TC 型で高血圧のオッズ比 (95% 信頼区間) が 0.65 (0.46, 0.92) と低く、一方女性では CC 型で高血圧のオッズ比 (95% 信頼区間) が 2.62 (1.05, 6.54) と有意に高かった。さらに、男性で *AdipoR2* 多型 (rs9805049) の CA 型で、高脂血症のオッズ比 (95% 信頼区間) が 1.58 (1.02, 2.43) と有意に増加していた。今後さらに縦断的に追跡調査を実施し、様々な遺伝子多型と心血管疾患罹患の関連を明らかにしていく予定である。

## 遺伝子多型の高血圧に関するオッズ比と 95% 信頼区間

| Polymorphism                      | Men               |         | Women             |         |
|-----------------------------------|-------------------|---------|-------------------|---------|
|                                   | Odds ratio        | P-value | Odds ratio        | P-value |
| <i>AdipoR2</i> (rs9805042) (/CC)  |                   |         |                   |         |
| CT+TT                             | 1.07 (0.70, 1.63) | 0.768   | 1.08 (0.51, 2.32) | 0.839   |
| <i>AdipoR2</i> (rs34903315) (/GG) |                   |         |                   |         |
| GA+AA                             | 1.08 (0.70, 1.68) | 0.714   | 1.17 (0.54, 2.51) | 0.690   |
| <i>AdipoR2</i> (rs9805049) (/AA)  |                   |         |                   |         |
| CA                                | 1.05 (0.77, 1.44) | 0.758   | 0.76 (0.44, 1.31) | 0.316   |
| CC                                | 0.98 (0.64, 1.49) | 0.913   | 0.77 (0.37, 1.62) | 0.495   |
| <i>BRAP</i> (rs11066001) (/TT)    |                   |         |                   |         |
| TC                                | 0.65 (0.46, 0.92) | 0.014   | 1.17 (0.68, 2.02) | 0.563   |
| CC                                | 0.57 (0.29, 1.12) | 0.103   | 2.62 (1.05, 6.54) | 0.039   |